

بررسی بیوانفورماتیکی تأثیر فاکتور نورون‌زاوی مشتق شده از مغز بر میزان بیان ژن در رده سلولی SH-SY5Y

کورش بامداد^۱، فرشته دادفر^{۲*}، شهرناز اشرفی^۳

• دریافت مقاله: ۱۳۹۷/۶/۱۷ • پذیرش مقاله: ۱۳۹۷/۷/۱۴

مقدمه: با توجه به اهمیت بررسی و شناسایی مسیرهای حفاظتی BDNF، تحقیق اخیر با استفاده از پایگاه‌های داده بیوانفورماتیکی با هدف آنالیز میزان بیان ژن‌های ثبت شده در پایگاه داده NCBI به منظور شناخت ژن‌های بیان شده در رده سلولی SH-SY5Y در نتیجه تیمار با BDNF و استرس اکسیداتیو و شناسایی مسیرهای حفاظتی BDNF انجام شد.

روش: در مطالعه حاضر با استفاده از سروورهای بیوانفورماتیکی و پایگاه داده NCBI و با جستجوی کتابخانه‌هایی حاوی بیش از ۴۸۰۰۰ واحد داده حاصل از تجزیه و تحلیل نرم افزار Illumina و Bid studio با نمونه‌برداری دستی در مرحله نخست (بر اساس P-value) و در مرحله دوم بر اساس میزان ارتباط با سازگاری نورون توسط نرم‌افزار SPSS نسخه ۲۰ میزان همبستگی پیرسون و همبستگی اسپیرمن و رابطه خطی با سنجش میزان برآش یا رگرسیون اندازه‌گیری و آنالیزها انجام شد.

نتایج: همبستگی پیرسون بین داده‌های CTR و CMP مثبت و رابطه خطی بین آن‌ها با اندازه‌گیری رگرسیون مثبت تأیید گردید. بر اساس نتایج به دست آمده، درصد پروتئین‌های سازگار کننده نورون از داده‌های CTR نسبت به داده‌های CMP بیشتر بود. بیشترین پروتئین‌های حفاظت نورون مربوط به حفظ شکل سلول و اسکلت سلولی و مرتبط با بقای نورون بودند.

نتیجه‌گیری: در نتیجه تماس نورون‌ها با BDNF، برخی از ژن‌ها به صورت اختصاصی بیان شدند؛ بنابراین این عامل می‌تواند سبب افزایش طول عمر و سازگاری بیشتر نورون‌ها باشد.

کلید واژه‌ها: نورون، فاکتور نورون‌زاوی مشتق شده از مغز، Y-SH-SY5

ارجاع: بامداد کورش، دادفر فرشته، اشرفی شهرناز. بررسی بیوانفورماتیکی تأثیر فاکتور نورون‌زاوی مشتق شده از مغز بر میزان بیان ژن در رده سلولی SH-SY5Y. مجله انفورماتیک سلامت و زیست پزشکی ۱۳۹۸؛ ۶(۱): ۵۹-۶۷.

۱. دکتری بیوفیزیک، استادیار، گروه زیست‌شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه پیام نور، تهران، ایران

۲. دکتری فیزیولوژی جانوری، استادیار، گروه زیست‌شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه پیام نور، تهران، ایران

۳. کارشناس ارشد بیوفیزیک، گروه زیست‌شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه پیام نور، تهران، ایران

*نویسنده مسئول: داراب، دانشگاه پیام نور

• Email: fereshtehdadfar2003@yahoo.com

• شماره تماس: ۰۷۱۵۳۵۶۴۵۰۲

مقدمه

فاکتور نورون‌زایی مشتق شده از مغز (Brain-Derived Neurotropic Factor BDNF) از جنس پروتئین با وزن تقریبی ۱۴ کیلو دالتون (۲۴۷ آسید‌آمینه) و ساختار سه بعدی واحد دو جفت رشته ناموازی بتا و از خانواده نوروتروفین‌ها بوده که بیشترین میزان بیان آن در سیستم عصبی مرکزی می‌باشد [۱]. به طور کلی نوروتروفین‌ها دسته‌ای از ترکیبات شیمیایی و عامل رشد هستند که توانایی تمایز یاخته‌های بنیادی به نورون‌ها را دارا می‌باشند که این فعالیت نورون‌زایی نامیده می‌شود و BDNF یکی از مهم‌ترین اعضای این خانواده بوده و با اتصال به گیرنده‌های تیروزین کینازی خاصی سبب راهاندازی آبشارهای درون یاخته‌ای و در نهایت تولید و تمایز نورون‌های جدید می‌شود. ژن کد کننده این فاکتور پروتئینی بر روی کروموزوم شماره ۱۱ انسانی قرار گرفته است و تنظیم فیزیولوژیک بیان این ژن نقش بسزایی در توسعه بافت مغز ایفا می‌کند [۲]. این پروتئین که اولین بار در اوایل سال ۱۹۸۰ کشف شد قادر است سبب رشد و توسعه سیستم عصبی مرکزی و محیطی شود و همچنین سبب راهاندازی سیناپس‌های عصبی و برقراری ارتباطات نورونی نیز شود [۳].

از جمله نقش‌های احتمالی دیگر می‌توان به فعال کردن سیستم دوبامینی، کمک به شکل‌گیری و توسعه سیستم عصبی، ارتباط و تمایز نورون‌ها، برقراری سیناپس و همچنین یادگیری و حافظه نیز اشاره کرد [۴]. بیماری‌های تحلیل برنده عصبی بیماری‌هایی هستند که در اثر عوامل آسیب‌رسان به سلول‌های عصبی ایجاد می‌شوند و با ناتوانی حرکتی یا اختلال حافظه و علائم روانی توأم هستند. شیوع این بیماری‌ها در حال افزایش است و در کشورهای صنعتی در حال تبدیل شدن به اپیدمی است و بیماران زیادی از ابتلاء به آلزایمر، پارکینسون و مولتیپل اسکلروزیس رنج می‌برند. مهم‌ترین عوامل آسیب سلول عصبی، استرس اکسیدانتیو است که به معنی افزایش گونه‌های فعال اکسیژن مانند پراکسید هیدروژن، سوپراکساید و رادیکال بسیار فعال هیدروکسیل است. به دلیل مصرف بالای اکسیژن در مغز و فراوانی لیپیدهای غیر اشباع در سیستم عصبی که نقاط حساس به رادیکال آزاد ایجاد کرده، واکنش‌های زنجیری آسیب‌رسان به اسید چرب به راه می‌افتد [۵]. فرایند آپوپتوز یا مرگ برنامه‌بیزی شده سلول، روشی حفاظتی و تحت کنترل ژن‌ها است که به منظور حذف سلول‌های ناخواسته یا غیر ضروری در موجودات زنده به کار

کشت ۲ ساعته تماس با BDNF بودند. از بین کتابخانه‌های ۲ و ۸ ساعته نیمی از داده‌های محیط کشت با حضور مینیمال Chronic Mimimal پراکساید یا محیط (Proxide CMP) و نیم دیگر داده‌های مربوط به محیط فاقد مینیمال پراکساید یا (Control CTR) بودند و کتابخانه‌های ۵۹۰ و ۵۹۱ مربوط به محیط کشت ۸ ساعته بار اول و ۶۰۰ مربوط به کتابخانه‌های ۸ ساعته بار دوم بودند و همچنین ۵۹۹ کتابخانه به شماره ۶۰۶ و ۵۹۷ مربوط به محیط کشت‌های ۲ ساعته تماس با BDNF و کتابخانه‌های ۵۹۶ و ۶۰۵ تکرار کشت ۲ ساعته بررسی شدند در تمام آن‌ها BDNF به میزان ۱۰ نانو گرم اضافه شده بود [۱۹].

جامعه آماری مورد بررسی داده‌های ثبت شده به کمک نرمافزار ایلومینا بود. این نرمافزار از پایگاه NCBI قادر به دریافت و ذخیره حجم انبوهی از mRNA و مقایسه و بررسی (Bid Studion) و شناسایی داده‌ها است. نرم افزار بید استودیو (Bid Studio) از ایلومینا فراوانی خام و میزان P-value را برای هر داده محاسبه و ثبت نموده که این مقادیر از صفحه ایلومینا دانلود شدند [۱۹]. پس در مرحله اول نمونه‌برداری به روش دستی و بر اساس میزان P-value بین ۰/۰۲ و ۰/۰۵ انجام شد و از چهل و هشت هزار داده حدود چهار هزار داده روی کاغذ ثبت شدند. در مرحله دوم با کلیک روی آیکن Gpl از صفحه دسترسی به داده‌های ایلومینا به آرشیو نرمافزار Illumina software به آدرس support.Illumina.com (support. Illumina. com) که در سایت NCBI بخش Geo Accession viewer به ثبت رسیده وارد و از جدول داده‌های رمز گشایی شده از هر کتابخانه فایلی حدود ۷ مگابایت دانلود شد که هر کدام حاوی ۴۹۰۰۰ mRNA داده بودند. در این فایل‌ها هر ID مربوط به یک mRNA بیان شده و اطلاعات آن از جمله پروتئین‌های حاصل از ترجمه آن‌ها بود. مرحله دوم نمونه‌برداری به صورت دستی و جستجو در فایل‌های دانلود شده و به منظور رمزگشایی کدهای ثبت شده روی کاغذ که Value مناسب داشتند، انجام شد و پروتئین‌های شناخته شده از هر ژن ثبت و بر اساس ارتباط با بقای سلول عصبی یا تولید آپوپتوز دسته‌بندی شدند. تجزیه و تحلیل روابط میان محیط کشت‌های CTR و CMP با کمک نرم افزار SPSS نسخه ۲۰ و با اندازه گیری ضریب همبستگی پیرسون رابطه خطی میان بیان ژن و مینیمال پراکساید محیط و میزان ناپارامتری با سنجش ضریب اسپیرمن و جهت بررسی ارتباط کتابخانه‌ها و قابلیت پیش‌بینی آن‌ها محاسبه میزان برازش یا رگرسیون انجام شد. همچنین رسم

SH-SY5Y RDE سلولی استخراج شده از انسان در سال ۱۹۷۰ است که با روش بیوپسی و از فرد واحد نوروبلاستوما به منظور تحقیقات علمی و به عنوان مدلی از عملکرد نورونی و تمایز یافته نورون‌ها به صورت In vitro مورد استفاده قرار می‌گیرد و البته بیشترین مورد استفاده آن در مطالعه نقص‌های وابسته به بیماری‌های تحلیل برنده سیستم عصبی نظری آرایمرو و پارکینسون می‌باشد [۱۷]. SH-SY5Y قادر است با قرار گرفتن در شرایط مختلف، آلل‌های گوناگون را بروز و در برابر ترکیباتی مانند رتینوبیک اسید و یا BDNF به سلول عصبی تبدیل شود. بررسی آزمایش‌های انجام شده روی این سلول و داده‌های mRNA ثبت شده که از سلول‌ها استخراج شده‌اند می‌توانند عملکرد BDNF را در حمایت از سلول عصبی و جلوگیری از بیماری‌های تحلیل برنده سیستم عصبی نشان دهند [۱۸]. هدف از مطالعه حاضر بررسی بیان‌انفورماتیکی بیان ژن SH-SY5Y در برابر BDNF و مینیمال پراکساید است.

روش

در این مطالعه تحلیلی به منظور شناسایی مسیرهای متابولیسمی و بیان ژن در سلول عصبی تحت تأثیر BDNF داده‌های ثبت شده از آزمایش‌های متعدد بر رده سلولی-SH-SY5Y که در زمان‌های ۸ و ۲ ساعت در برابر BDNF و هیدروژن پراکساید حداقل که سبب مرگ فوری سلول نمی‌شود قرار گرفته بودند، بررسی شدند. برای بررسی به پایگاه NCBI(National Center for Biotechnology Information) پایگاه ملی تحقیقات بیولوژی وارد شده و روی آیکن Develop کلیک شد. پس با انتخاب Geo از بخش Brain به صفحه بررسی بیان ژن وارد و کلمه Gene BDNF در قسمت جستجو تایپ و به صفحه‌ای حاوی ۷۷۰ کتابخانه وارد و کتابخانه‌های حاوی داده‌ها مربوط به رابطه BDNF و سلول عصبی جستجو شدند. از ایلومینا، idهای ۱۶۹۲۳۹۰، ۱۶۶۱۳۴۲، ۱۷۹۸۹۷۵، ۱۸۰۶۱۴۷، ۱۶۹۲۳۹۰ می‌توان به ۱۶۹۸۹۲۵ در کتابخانه‌های ۱۶۹۸۹۲۵، ۱۷۰۶۵۴۸، ۱۷۲۵۹۱۰، ۱۶۵۸۷۴۳، ۸ ساعته که با تأثیر بر چرخه سلول یا تنظیم تقسیم سلول و کمک به تولید اسکلت سلولی سبب پایداری یاخته می‌شوند و از ایلومینا، idهای ۲ ساعته ۱۷۱۸۹۶۰، ۲۱۲۱۴۰۸، ۱۷۱۸۹۹۰، ۱۷۳۷۷۲۵۲، ۱۷۷۲۶۸۲، ۱۸۰۸۵۰۸، ۱۷۳۷۷۲۵۲ شناسایی شدند که ممانت از آپوپتوز و فاکتور رشد و کمک به دوام و استحکام سلول را بر عهده داشتند. چهار تا از این کتابخانه‌ها داده‌های محیط کشت ۸ ساعت تماس با BDNF و چهار تا حاوی داده‌های محیط

حافظت DNA، ضد سمیت سلول و تأمین انرژی فقط در محیط کشت‌های ۸ ساعته و پروتئین‌های توقف آپوپتوز، فاکتور رشد کمک به سیناپس، عوامل تقسیم سلول و مرتبط با بقای نورون در هردو نوع داده‌های ۸ و ۲ ساعته مشاهده شدند. از کتابخانه CMP BDNF 8h 1، ۱۳۹ داده مرتبط با نورون ثبت شد که ۱۴/۳ درصد ضد آپوپتوز بودند. کتابخانه CTRBDNF8 h 1 از ۴۰ داده ۳۲ درصد به دوام نورون مربوط بودند. در کتابخانه ۲، CMPBDNF 8h 2، ۱۰۰ داده CTR ثبت شد که ۷ درصد به دوام نورون مربوط بود. در BDNF 8 h 2 از ۱۱۱ داده ۸ درصد به دوام نورون مربوط بودند. در کتابخانه ۱، CMP BDNF 2h 1 از ۱۲۹ داده آماری درصد با بقای نورون مربوط بودند و از CTR BDNF 2h ۷ داده ثبت شد که ۹ درصد با دوام نورون مربوط‌اند. از کتابخانه ۲، CMP BDNF 2h ۱۱۰ داده ثبت شد که ۵ درصد مرتبط به دوام نورون بودند. در کتابخانه CTR ۹۸ داده شناسایی شدند که ۸ درصد مربوط به دوام نورون بودند.

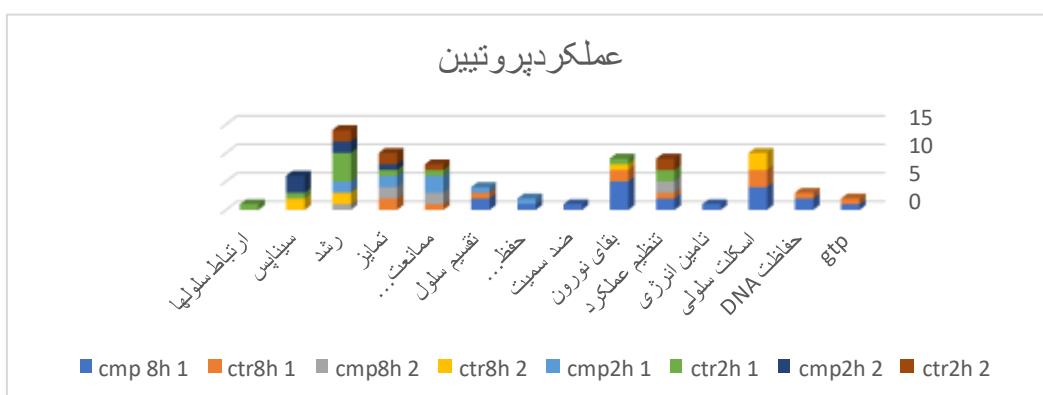
نمودار به کمک نرم افزار اکسل و به منظور بررسی پراکندگی پروتئین در کتابخانه‌ها و نمایش رابطه خطی و فراوانی آن‌ها انجام شد.

نتایج

پس از بررسی نتایج، پروتئین‌های مؤثر بر سلول عصبی مشخص شدند و در جدول ۱ ثبت شدند و همراه با نام هر پروتئین عملکرد آن هم ثبت شد. از پروتئین‌های مرتبط با سازگاری نورون، بیشترین پراکندگی کتابخانه‌ها و بیان ژن در ارتباط با حفظ شکل و اسکلت سلول و پروتئین‌های مرتبط با دوام نورون بودند و کمترین پراکندگی را پروتئین‌های مربوط به حفظ شکل کروموزوم و تأمین انرژی داشتند که در نمودار ۱ نشان داده شد. همان‌گونه که در جدول ۱ مشاهده شد، بیشترین فراوانی مربوط به پروتئین‌های مرتبط با حفظ اسکلت سلولی و بقای نورون و کمترین فراوانی مربوط به پروتئین‌های دخیل در حفظ کروموزوم و تأمین انرژی است.

همچنین مقایسه درصد پروتئین‌ها در هر کتابخانه در نمودار ۲ نشان داده شد و پروتئین‌های عامل حفظ اسکلت سلول،

نمودار ۱: پراکندگی پروتئین‌ها



نمودار ۲: مقایسه فراوانی پروتئین‌ها در هر کتابخانه

جدول ۱: مهم‌ترین پروتئین‌های بیان شده در کتابخانه‌ها

پروتئین	فعالیت	پروتئین	فعالیت	پروتئین	فعالیت	پروتئین	فعالیت	پروتئین	فعالیت	پروتئین	فعالیت	پروتئین
G Protein	مرتبط با بقای نورون	گیرنده افرين	گیرنده نوروتروفين	۴	گیرنده آلفا ۴	مؤثر برستوکینز	۶	اسکلت سلولی	پلاکوفیلین ۴	جلوگیری از تخریب DNA	Fbox48	BDNF
GDPase	مرتبط به بقای نورون	Ras	تنظیم چرخه	سیکلین	اسکلت سلول	اینتگرین	رونویسی	کیناز	ATP	ابروزیم دهیدروزنار	تنظیم چرخه سلول	گوانولیت کیناز
Trasferase	حفظ کروموزوم	پوشش هیستونی	حفظ شکل سلول	فعال کننده پروتئین‌های شکل ساز	مرتبط با بقای نورون	ترانسفراز ۲	مرتبط با بقای نورون	گیرنده ای نوروتروفين	DNA بازارسازی	Fbox7	سم زدایی	ترانسفراز
Coiled coil	ساخت اسکلت سلول	Ferodoxin8	حفظ اسکلت سلول	بای کودال دی	نوعی GProtein	Rab1factor	حفاظت DNA	NfkBiB	اسکلت سلولی مؤثر بر میتوز	Rho associated coiled coil	مرتبط با بقای نورون	نوعی گیرنده رشدی
b اسپکترون	تمایز عصبی	Ganglion differentiation	تنظیم رونویسی	Krupple like factori	تقسیم سلول	بروتین ساترزوومی	بقای سلول	GTP activator	جلوگیری از تخریب GTP	Rho GDP inhibitor	اسکلت سلول	a اسپکترون
D نوروبیپتید	تمایز نورون	M6A	مانع از فعالیت کاسپاز	Apopetosis caspase inhibitor	تنظیم سوخت و ساز	Sesterin3	حفاظت نورون	Netrin receptor	فاکتور رشد	نوروبیپتید	بقای نورون	Proline rich protein
اسکلت سلولی ۴	سلامت پروتئین	Opioid binding protein	عامل رشد	ایترولاکین ۱۷	توقف سیگنال آپوپتوز	Metalo peptide	بقای سلول	Ciliary neurotrophic factor	کمک به سیناپس	Glutamate inotropic receptor kinate	اسکلت سلولی	اسپکترون ۴
نوروکندریون	انتقال پیام	Dynamine 2	رفع مرگ سلول	Deadinducer Obliterator	فعال ساز گیرنده Bdnf	نوروگلین ۱	تنظیم رونویسی	Nuclear factor Related to kappa binding Glyco Protein.	فاکتور رشد	باندینگ پروتئین فیبروبلاست	سلامت نورون	نوروکندریون
Rho growth factor	تمایز نورون	نورو کولین ۸	مانع تخریب یاخته	مانع از سرین پیتیداز	طوبیل شدن نورون	فاکتور افزایش طول	مانع از سرین پیتیداز	Purinerich binding protein	رونویسی و همانندسازی	تنظيم انتقال پیام	تنظیم انتقال پیام	Rho growth factor

داد که رابطه خطی بیش از ناپارامتری وجود دارد. همچنین برای دستیابی به یک مدل خطی میزان برازش میان داده‌های کتابخانه‌ها نزدیک به ۱ و جدول ANOVA با توجه به مقدار $Sig = .031$ و میزان f کمتر از ۵۰ درصد برازش مثبت تأیید و فرض آماری $H_0: b = 0$, $H_1: b \neq 0$ رد شد و با توجه به مقادیر $y = 3/798 + 0/318$, $T = 0/318$, $B = 3/798$, رابطه خطی برآورد شد (جدول ۳).

داده‌های مهم عامل آپوپتوز در جدول ۲ ثبت شده و بیشترین آن‌ها آنزیم‌هایی هستند که موجب تخریب غشاهای میتوکندری و غشای سلول یا ماده ژنتیک هستند. درصد پروتئین‌های دوام SPSS نورون از کتابخانه‌های CTR و CMP به نرم‌افزار SPSS داده شد و ضریب همبستگی پیرسون به میزان ۹۵ درصد تعیین شد و این بیانگر رابطه خطی معنی‌دار بین وجود مینیمال پرکساید و بیان ژن و BDNF در هر دو محیط بود اندازه‌گیری همبستگی اسپیرمن از ۶۳۲/۰ با خطای ۳۶۸/۰ نشان

جدول ۲: مهم‌ترین پروتئین‌های آپوپتوز از ۸ کتابخانه داده بررسی شده

Unc5b	گیرنده آپوپتوز	DNA فله کردن	گیرنده تیروزین فسفات A	usp15
دیدرووتیت اکسیداز دیدروروزناز	Arginine decarboxilase	Metyltransferase	Snx6	تنظیم رونویسی Shox2
گلیسروفسفو دی استراز	انواع انگشت روی	Gltbd1 بیوستز	Tmub2	گیرنده هسته‌ای Nrbp1
مانوزیداز آلفا	اکسیدور دکاز	Ppp2b متاپولیسم چربی	Prkd3	مانوزیداز Maneal
Nek11 مانع میتوز	اکواپورین ۱۰	Gen1 اندونوکلیاز	Hdhd3	Peptidase
Thap2 از مجموعه‌ی آپوپتوز	متصل گوانیلیت کاپز	Kiaa1614	Mbd2	Tnfreceptor associated) Traf2(factor
Atp2b1 هیدرولاز	متالو پپتیداز	Kcnmn3 هدایت پالسیم	Helicase	Pqbp1
آمینو پپتیداز	گیرنده گابا	B9 فاکتور کاپا	نورولیزین، هیدرولاز	Cyt p450
سکرتین ۳ دی پپتیداز	کالدین ۵	pfdn ۴ غیرفعال کننده چاپرون	C1qtnf6 نکروز تومور	(countertop binding protein) Osbp2 متاپولیسم لبید
متالو پپتیداز	Rho GDP inhibitor	Rbp1 رپرسور	مانع کننده متاپولیسم گلیکوزن	مؤثر در آپوپتوز Nuclear program.
Depolimerase	گلیکوزیل ترانسفراز	گلیکوزیل سرامیداز	Maxinteractor سلول	Translinassociated factor interacting ورود کلیسم
Double cortin like kinase	Deoxiribonucleas	Scn3b کانال ولتاژی سدیم	Palp2 توقف ترجمه	AMpk توقف جرخ سلول

جدول ۳: آنالیز داده‌ها

Model	Sums of square	Df	Mean square	F	Sig
Regression	۴۳/۰۸۸	۱	۴۳/۸۸۰	۳۰/۵۸۰	.۰۳۱
Residual	۲/۸۷۰	۲	۱/۴۳۵		
Total	۴۶/۷۵۰	۳			

گانگلیون‌های عصبی و فاکتور (۱) مؤثر بر رونویسی از کتابخانه CTR BDNF8 h 1 و نوروپپتید D عامل رشد، ترکیب گلیکوپروتئین منوآمین اکسیداز که در مهاجرت و تمایز نورون‌ها مؤثر است از کتابخانه ۲ CMP BDNF 8h 2.

بحث و نتیجه گیری در این مطالعه پروتئین‌های سرین ۸ و متالو پپتید، ضد آپوپتوز و تأییدی بر نقش BDNF در مطالعات Jang و همکاران هستند [۲۰]. پروتئین سانتروزومی و پروتئین‌های تمایز

بر سلول عصبی بوده؛ اما با توجه به ارتباط خطی میان داده‌های CTR و CMP می‌توان گفت BDNF در سازگاری نورون‌ها با محیط نامساعد و شرایط سخت مانند گرسنگی مؤثر بوده؛ اما با توجه به درصد بالای بیان پروتئین‌های آپوپتوزی در این مطالعات مقدار ۱۰ نانوگرم BDNF که در تمام مطالعات ثابت بوده نتوانسته از مرگ سلول جلوگیری کند؛ اما در افزایش مقاومت سلول و به تعویق انداختن آسیب مؤثر بوده است. علی‌رغم ۱۴ مسیر حفاظتی شناخته شده که توسط BDNF در سلول عصبی راه‌اندازی شدند. بیشترین عملکرد مشاهده شده از BDNF در این مطالعه تأثیر آن در بیان ژن‌های مرتبط با اسکلت سلولی، کمک به مقابله با سمتی، استرس اکسیداتیو و ورود و فعال‌سازی فاکتورهای رشدی بوده که می‌تواند سازگاری نورون‌ها را در برابر شرایط تنفس و سختی افزایش دهد. پس BDNF می‌تواند به عنوان دارویی مناسب در بیماری‌های آسیب عصبی انتخاب شود؛ اما با توجه به این که تأثیرات کلی بر سلول عصبی مطالعه شده پیشنهاد می‌شود آزمایش‌های مشابه با دوزهای متغیر BDNF در زمان‌های ثابت یا متفاوت از این مطالعه انجام شود.

تضاد منافع

نویسنگان هیچ گونه تضاد منافع اعلام نکرده‌اند.

CTR BDNF 8h 2 و پروتئین‌های حمایتی از UC1h51p در تقسیم سلول، ایترولوکین ۱۷ و مارکر A2B5، فاکتور رشدی HbE متصل به هپارین از عوامل مؤثر بر رشد از کتابخانه‌های CMP دو ساعته و پروتئین FOX2 فاکتور هسته مربوط به رونویسی، ایترولوکین آلفا و فاکتور رشد فیبروبلاستی در داده‌های CTR دو ساعته مشاهده و نقش BDNF در توسعه سیستم عصبی و تولید فاکتورهای رشد که در تحقیقات فتحی و همکاران به آن BDNF اشاره شده و نتایج مطالعات زکوی و ولی پور در نقش BDNF در توسعه عصبی تأیید شد [۸، ۱۱]. همچنین پروتئین‌های مؤثر بر کاتالیز دوپامین مانند مناؤامین اکسیداز و تولید پروتئین پیامرسان PGC-1 و گیرنده BDNF و گیرنده فاکتور رشد CTR 8h از CMP8H Netrin 2، نوروگلین ۱ فعال کننده گیرنده رشد از CTR BDNF 2 h و گیرنده گلوتامات از کیناز از BDNF 2h نقش BDNF را که در تحقیقات رضایی و همکاران به عنوان فعال‌ساز دوپامین شناخته شده تأیید کردند و این پروتئین‌ها می‌توانند با پیشگیری از تجزیه دوپامین از بیماری پارکینسون جلوگیری کنند [۹]. باید توجه داشت که بررسی‌های انجام شده بیشتر به هدف شناسایی پروتئین‌ها و مسیرهای متابولیسمی تولید شده از اثر BDNF

References

- Chao MV, Bothwell M. Neurotrophins: to cleave or not to cleave. *Neuron*. 2002;33(1):9-12.
- Cabelli R, Hohn A, Shatz C. Inhibition of ocular dominance column formation by infusion of NT-4/5 or BDNF. *Science* 1995;267(5204):1662-6.
- Acheson A, Conover JC, Fandl JP, DeChiara TM, Russell M, Thadani A, et al. A BDNF autocrine loop in adult sensory neurons prevents cell death. *Nature* 1995;374(6521):450-3.
- Skaper SD. The neurotrophin family of neurotrophic factors: an overview. *Method in molecular Biology*. 2012;846:1-12.
- Rajabi S, Noori S, Zal F, Jahanbazi Jahan-Abad A. Oxidative stress and its different roles in neurodegenerative diseases. *Shefaye Khatam* 2014; 5(1): 73-86. Persian
- Honardoost M, Soleimanjahi H, Rajaei F. Apoptosis: programmed cell death . *J Qazvin Univ Med Sci*. 2013; 17 (3) :48-57. Persian
- Taheri Chadorneshin H, Afzalpour ME, Foadoddini M, Abtahi H. The Effect of high intensity intermittent trainings on brain-derived neurotrophic factor and glial cell linederived neurotrophic factor levels in brain of rats. *Quarterly Journal of Sabzevar University of Medical Sciences* 2015; 22(1): 180 -8.
- Rajabi S, Noori SH, Zal F, Jahanbazi Jahan-Abad A. Oxidative Stress and its Different Roles in Neurodegenerative Diseases. *Shafaye khatam*.2016;5(1):73-86.
- Rezaee Z, Marandi SM, Ghaedi K, Esfarjani F. molecular mechanisms of Neurotrophins actions on diseases of nervous system. *Genetics in the Third Millennium* 2015; 12(4):3778-93. Persian
- Hosseinzadeh S, Dabidi Roshan V. Effects of curcumin supplementation on bdnf and oxidative/antioxidative process in rat's hippocampus which exposed to lead. *Journal of Gorgan University of Medical Sciences* 2011; 13 2(2): 1 -8. Persian
- Zakavi I, Valipoor A, Banihashemi Emam Ghayisi M, Bijani B, Eisazadeh R. The effect of pilates exercises on serum BDNF level in elderly men. *Journal of Sport Biosciences* 2015;7(4):675-88. Persian
- Picard M, McEwen BS. Mitochondria impact brain function and cognition. *Proceedings of the National Proc Natl Acad Sci U S A* 2014;111(1):7-8.
- Hosseini SA, Mojtabaei S, Kordi MR , Shabkhiz F, Fallah Omran S. Effect of short term and light forced

treadmill running on BDNF and TrkB in the hippocampus of adult wistar male rats . Razi Journal of Medical Sciences 2011; 19(101): 61-7. Persian

14. SNP, National centr for biothecnologyinformation , 2017 , http: //www. NCBI.nlm .nih . GOV/project / SNP/sub summury .cig

15. Schneider L, Giordano S, Zelickson BR, S Johnson M, A Benavides G, Ouyang X, et al. Differentiation of SH-SY5Y cells to a neuronal phenotype changes cellular bioenergetics and the response to oxidative stress. Free Radic Biol Med. 2011 Dec 1;51(11):2007-17.

16. Sepe M, Lignitto L, Porpora M, Delle Donne R, Rinaldi L, Belgianni G, Colucci G, Cuomo O, Viggiano D, Scorziello A, Garbi C. Proteolytic control of neurite outgrowth inhibitor NOGO-A by the cAMP/PKA pathway. Proceedings of the National Academy of Sciences 2014;111(44):15729-34.

- 17.** Biedler JL, Helson L, Spengler BA. Morphology and growth, tumorigenicity, and cytogenetics of human neuroblastoma cells in continuous culture. Cancer Res1973;33(11):2643-52.
- 18.** Tiller G. Brain-derived neurotrophic factor; BDNF. 9. Available from:
<https://www.omim.org/entry/113505?search=bdnf&highlight=bdnf>
- 19.** Johannes CM, Schlachetzki SWS, Antonio Carlos PO. Studying neurodegenerative disease in culture model. Revista Brasileira de Psiquiatria. 2013; 35:S92–S100 .
- 20.** Jang SW, Liu X, Pradoldej S, Tosini G, Chang Q, Iuvone PM, et al. N-acetylserotonin activates TrkB receptor in a circadian rhythm. Proc Natl Acad Sci U S A 2010; 107(8): 3876–81.

Bioinformatics Study of the Effect of Brain-derived Neurogenic Factor (BDNF) on Gene Expression in SH-SY5Y Cell Line

Bamdad Kourosh¹, Dadfar Fereshteh *², Eshraghi Shahnaz³

• Received: 8 Sept, 2018

• Accepted: 6 Oct, 2018

Introduction: Considering the importance of the evaluation and identification of BDNF protective pathways, this study was conducted to analyze the expression rate of genes registered in the NCBI database to identify the genes expressed in SH-SY5Y cell line due to BDNF protection and oxidative stress and also to identify the protective pathways of BDNF.

Method: In this study, bioinformatics and NCBI databases and libraries including 48000 datasets were explored and data were collected using Illumina and Bid studio software. In the first phase, sampling was performed manually based on the P-value, and in the second phase, based on the relationship with compatibility of neurons, the Pearson correlation coefficient, Spearman's correlation coefficient, and linear relationship were calculated by measuring fit or regression using SPSS version 20.

Results: The Pearson correlation between CMP and CTR data was positive; and the linear regression between them was also positive. The frequency percentage of neuron adapter proteins obtained from CTR data was higher than that from CMP data; and a great number of protective proteins were related to the protection of cell shape and cellular skeleton, and neuron survival.

Conclusion: Due to the contact of neurons with BDNF, some genes are specifically expressed, therefore, BDNF can increase the life and compatibility of neurons.

Keywords: Neuron, Brain-derived neurogenic factor, SH-SY5Y, NCBI

• **Citation:** Bamdad K, Dadfar F, Eshraghi SH. Bioinformatics Study of the Effect of Brain-derived Neurogenic Factor (BDNF) on Gene Expression in SH-SY5Y Cell Line. Journal of Health and Biomedical Informatics 2019; 6(1): 59-67. [In Persian]

1. Ph.D. in Biophysics, Assistant Professor, Biology Dept., Faculty of Sciences, Payame Noor University, Tehran, Iran
2. Ph.D., in Animal physiology, Assistant Professor, Biology Dept., Faculty of Sciences, Payame Noor University, Tehran, Iran
3. MSc, in Biophysics, of Biology Dept., Faculty of Sciences, Payame Noor University, Tehran, Iran

*Correspondence: Pyame Noor University, Darab, Iran.

• Tel: 01753564502

• Email: fereshtehdadfar2003@yahoo.com